

C. 1

Primer (SEQ ID NO.)		SEQUENCE (5' - 3')										MER																			
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30
C101 (1)	5'	HLA-C ex2 221-239	C	C	G	A	G	T	G	A	A	C	C	T	G	C	G	G	A	A	A										
C102 (2)	5'	HLA-C Ex2 249-268	T	A	C	T	A	C	A	A	C	A	G	A	C	G	C	G	A	G	G	A									
C103 (3)	5'	HLA B&C Ex2 210-228	C	A	C	A	G	A	C	T	G	A	C	C	G	A	G	T	G	A	G										
C104 (4)	5'	HLA-C Ex2 123-140	A	G	T	C	C	A	A	G	A	G	G	G	G	A	G	C	C	G											
C105 (5)	5'	HLA-A&C Ex2 5-25	C	C	A	C	T	C	C	A	T	G	A	G	G	T	A	T	T	T	C	T									
C106 (6)	3'	HLA-C Ex3 243-263	T	C	T	T	C	T	C	C	A	G	A	A	G	C	A	C	C	A	T										
C107 (7)	3'	HLA-C Ex3 243-263	C	A	G	G	T	C	A	G	T	A	G	G	C	T	C	T	C	C	A										
C108 (8)	3'	HLA-B&C Ex3 195-213	C	C	T	C	C	A	G	G	T	A	G	G	C	T	G	C	A	T											
C109 (9)	3'	HLA-C Ex4 234-251	C	A	G	C	C	C	C	T	C	C	G	T	G	C	T	C	T												
C110 (10)	3'	HLA-C Ex3 258-275	C	G	C	G	C	G	C	T	G	C	A	G	C	G	T	C	T	C	A	G									
C111 (11)	3'	HLA-C Ex3 195-213	C	C	T	C	C	A	G	G	T	A	G	G	C	T	C	T	C	A											
C112 (12)	3'	HLA-C Ex4 31-49	C	T	C	A	G	G	G	T	G	A	G	G	G	G	C	T	C	T											
C113 (13)	3'	HLA-C Ex3 134-151	T	G	A	G	C	C	G	C	G	T	G	T	T	C	C	G	C	A											
C114 (14)	3'	HLA-B & C Ex3 18-36	G	G	T	C	G	C	A	G	C	C	A	T	A	C	A	T	C	C	A										
C115 (15)	5'	HLA-B & C Ex3 59-76	C	C	G	C	G	G	G	T	A	T	G	A	C	C	A	G	T	C											
C116 (16)	3'	HLA-C Ex4 4-23	G	C	G	T	C	T	C	C	T	T	C	C	C	G	T	T	C	T	T										
C117 (17)	5'	HLA-C Ex4 4-23	A	G	C	G	T	C	T	C	C	T	T	C	C	C	A	T	T	C	T	T									
C118 (18)	5'	HLA-C Ex3 134-151	T	C	C	G	C	G	G	G	T	A	T	G	A	C	C	A	G	T	A										
C119 (19)	3'	HLA-C Ex3 25-42	G	C	C	C	C	A	G	G	T	C	G	C	A	G	C	C	A	A											
C120 (20)	5'	HLA-C Ex2 195-213	A	C	A	A	G	C	G	C	C	A	G	G	C	A	C	A	G	G											
C121 (21)	3'	HLA-ABC Ex3 216-233	G	A	G	C	C	A	C	T	C	C	A	C	A	G	C	A	C	T	C	T									
C122 (22)	3'	HLA-A & C Ex 3 195-214	C	C	C	T	C	C	A	G	G	T	A	G	G	C	T	G	C	A	T	G									
C123 (23)	3'	HLA-B & C Ex3 65-84	T	C	G	T	A	G	G	C	T	A	C	C	T	G	G	T	C	A	T	G									
C124 (24)	3'	HLA-C Ex3 131-148	C	C	G	C	C	G	T	G	T	C	G	C	C	G	C	A													
C125 (25)	5'	HLA-G Ex2 252-270	T	A	C	A	A	C	A	G	A	A	G	C	G	A	G	C	C	G	A										
C126 (26)	5'	HLA-C Ex2 253-270	A	C	A	C	A	A	C	A	G	A	G	C	G	A	G	T	G	C	A										
C127 (27)	5'	HLA-C Ex2 85-103	A	C	G	A	C	A	C	G	C	A	G	T	A	G	T	T	G	C	A										
C128 (28)	3'	HLA-C Ex2 229-246	G	C	G	C	A	G	G	T	T	C	C	G	C	A	G	C	G												
C129 (29)	3'	HLA-A Ex3 216-233	G	A	G	C	C	A	C	T	C	C	A	C	G	C	A	C	C	G	T										
C130 (30)	3'	HLA-ABC Ex3 216-233	G	A	G	C	C	A	C	T	C	C	A	C	G	C	A	C	C	T											
C131 (31)	3'	HLA-A Ex3 195-213	C	C	T	C	C	A	G	G	T	A	G	G	C	T	C	T	C	T	G										
C132 (32)	3'	HLA-A Ex3 48-64	C	C	G	C	G	G	A	G	G	A	A	G	C	G	C	C	A	T	T										
C133 (33)	5'	HLA-A Ex2 5-25	C	C	A	C	T	C	C	A	T	G	A	G	G	T	A	T	A	T	C	T									
C134 (34)	5'	HLA-A Ex2 168-186	C	C	G	G	A	G	T	A	T	T	G	G	G	G	A	C	C	T	G	C									

C1

Primer (SEQ ID NO.)	SEQUENCE (5'-3')	MER																			
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20
C135 (35)	3' HLA-C Ex3 25-41	C	C	C	C	A	G	G	T	C	G	C	C	A	G						17
C136 (36)	3' HLA-B & C Ex3 169-185	C	G	C	A	C	G	G	G	C	C	C	C	C	A						17
C137 (37)	5' HLA-B Ex2 144-161	G	C	G	C	C	G	T	G	G	A	G	A	G	C	A					18
C138 (38)	5' HLA-B Ex2 117-133	G	C	C	G	C	G	A	G	T	C	G	A	G	A	C					17
C139 (39)	5' HLA-B Ex2 181-199	A	C	C	G	G	A	A	C	A	C	A	G	A	T	C	T	G			19
C140 (40)	5' HLA-B Ex2 181-199	A	C	C	G	G	A	A	G	A	C	A	C	A	T	C	T	C			19
C141 (41)	5' HLA-A & B Ex2 170-188	G	G	A	G	T	A	T	T	G	G	G	A	C	G	A	A	C			18
C142 (42)	5' HLA-B Ex2 195-212	A	A	C	A	T	G	A	A	G	G	C	C	T	C	G					20
C143 (43)	5' HLA-B Ex2 180-199	G	A	C	C	G	G	A	A	C	A	C	A	G	A	T	C	T	T		18
C144 (44)	3' HLA-B Ex2 219-236	T	A	C	C	G	A	G	A	G	A	A	C	C	T	G	C	G			17
C145 (45)	5' HLA-B Ex2 157-173	A	G	C	A	G	G	A	G	G	A	G	C	C	G	A	A				18
C146 (46)	5' HLA-B Ex2 51-68	G	G	G	G	A	G	C	C	C	G	C	C	T	T	C	A	T			19
C147 (47)	5' HLA-B Ex2 192-210	C	A	G	A	T	C	T	A	C	A	G	G	C	C	C	A	G			21
C148 (48)	5' HLA-B Ex2 5-30	C	A	A	T	G	A	G	G	T	A	T	T	T	C	T	A	C	C	G	20
C149 (49)	5' HLA-B Ex2 180-199	G	A	C	C	G	G	A	A	C	A	C	A	G	A	T	C	T	A		18
C150 (50)	5' HLA-B & C Ex2 221-238	C	C	G	A	G	A	G	A	G	C	C	T	G	C	G	A	A			19
C151 (51)	5' HLA-A & B Ex2 220-238	A	C	C	G	A	G	A	G	A	A	C	C	T	G	C	G	A	T		18
C152 (52)	5' HLA-B Ex2 116-133	C	G	C	C	G	C	G	A	G	T	C	C	G	A	G	A	A			21
C153 (161)	5' Control Primer PIC1	A	T	G	A	T	G	T	T	G	A	C	C	T	T	C	C	A	G	G	23
C154 (162)	3' Control Primer PIC2	T	T	C	T	G	T	A	A	C	T	T	T	C	A	T	C	A	G	T	19
C155 (55)	3' HLA-B Ex3 195-213	C	C	T	C	C	A	G	G	T	A	G	G	C	C	T	G	T	C		16
C156 (56)	3' HLA-B & C Ex3 44-59	G	A	G	G	A	G	G	C	G	T	A	G	C	G	G					17
C157 (57)	3' HLA-ABC Ex3 76-92	C	T	T	G	C	C	G	T	C	G	T	A	G	G	C	T				19
C158 (58)	3' HLA-B & C Ex3 77-95	A	T	C	C	T	T	G	C	C	G	T	C	A	G	G	C	T			20
C159 (59)	3' HLA-B Ex3 92-111	C	G	T	T	C	A	G	G	C	G	T	C	A	G	G	T	C	T		18
C160 (60)	3' HLA-B Ex3 201-218	C	G	T	G	C	C	C	C	T	C	G	A	G	C	T	C				18
C161 (61)	3' HLA-ABC Ex3 216-233	G	A	G	C	C	A	C	T	C	C	A	C	A	C	T	C				17
C162 (62)	3' HLA-B Ex3 229-246	C	C	A	G	G	T	A	T	C	T	G	C	G	A	G	C	G			18
C163 (63)	3' HLA-B Ex3 260-276	C	C	G	C	G	C	G	C	T	C	C	A	G	C	T					20
C164 (64)	3' HLA-B Ex3 262-279	T	A	C	C	A	G	C	G	C	G	C	T	C	G	A	T	G	A		19
C165 (65)	3' HLA-B & C Ex3 10-29	G	C	C	A	T	A	C	A	T	C	C	T	C	T	A	C	A	C		18
C166 (66)	3' HLA-B Ex3 18-36	C	G	T	C	G	C	A	G	C	C	A	T	A	C	G	C	C	T		18
C167 (67)	3' HLA-B Ex3 184-201	C	T	C	T	C	A	G	C	T	G	C	T	G	C	G	T	C			18
C168 (68)	3' HLA-B & C Ex3 69-87	G	T	C	G	T	A	G	G	C	G	A	C	T	G	G	T	G			18
C169 (69)	3' HLA-A & B Ex3 68-85	T	C	G	T	A	G	G	C	G	T	C	C	T	G	G	T	G			20
C170 (70)	3' HLA-B Ex3 156-173	C	T	C	C	A	A	C	T	T	G	C	C	G	C	A	A	T	A	T	19
C171 (71)	3' HLA-B Ex2 173-192	G	T	G	T	G	T	T	C	C	G	G	T	C	C	A	A	G	C	G	20
C172 (72)	3' HLA-A & B Ex2 246-264	C	G	C	T	C	T	T	G	G	T	T	G	T	A	G	T	A	G	C	T
C173 (73)	3' HLA-B Ex4 168-187	G	C	C	C	A	C	T	T	C	T	G	G	A	A	G	T	T	C	T	

[illegible]

Primer (SEQ ID NO.)		SEQUENCE (5' - 3')																														MER	
		C	A	T	G	A	G																										
5' C2F32T (150)	HLA-C Ex2 14-32	C	A	T	G	A	G		G	T	A	T	T	C	T	A	C	A	C		C	G	C										22
5' C2F25A (151)	HLA-C Ex2 5-25	C	A	C	T	C	C		A	T	G	A	G	G	T	A	T	T	C		G	A											20
5' C2F25C (152)	HLA-C Ex 5-25	C	A	C	T	C	C		A	T	G	A	G	G	T	A	T	T	C		T	C											20
5' C2F32C (153)	HLA-C Ex2 14-32	T	G	A	G	G	T		A	T	T	T	C	T	A	C	A	C	G		C	C											19
3' C3R195G (154)	HLA-C Ex 3 195-213	C	C	T	C	C	A		G	G	T	A	G	G	C	T	C	T	C		C												18
3' C3R195C (155)	HLA-C Ex3 195-213	C	T	C	C	A	G		G	T	A	G	G	C	T	A	G	C	G		T												18
3' C3R076A (156)	HLA-C Ex3 76-93	C	C	T	T	G	C		C	G	T	C	G	T	A	G	G	C	G		G												18
3' C3R076C (157)	HLA-C Ex3 76-93	C	C	T	T	G	C		C	G	T	C	G	T	A	G	G	C	G		A												18
3' C3R076T (158)	HLA-C Ex3 76-93	C	C	T	T	G	C		C	G	T	C	G	T	A	G	G	C	T		A												19
3' C3R075TA (159)	HLA-C Ex3 75-93	T	A	C	A	A	G		C	G	C	C	A	G	G	C	A	C	A		A												
5' C2F216A (160)	HLA-C Ex2 198-216	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30		
	Class I Capture Oligo A1	A	C	G	C	C	T	A	C	G	A	C	G	G	C	A	A	G	G	A	T	T	A	C	A	T	C	G	C	C			
	Class I Capture Oligo A2	G	A	T	G	G	A	G	C	C		G	C	G	G	T	G	A	T	A	G	A	G	C	A	G	A	G	A	G	G		
	Class I Capture Oligo B1	C	A	G	T	T	C	G	T	G	A	G	G	T	T	C	G	A	C	A	G	C	A	G	A	G	C	A	G	C	C		
	Class I Capture Oligo B2	C	T	G	C	G	C	G	G	C	T	A	C	T	A	C	A	A	C	C	A	G	C	A	G	A	G	A	G	C	C		
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30		

C2

Table 2

PRIMER (SEQ ID NO.)	PRIMER	SEQUENCE (5'-3')	MER 3' seq
DQ01 (169)	5' DQB 8V-1	T C C [CT] C G C A G C A G A G A T T T C G T G	20 G
DQ02 (170)	5' DQB 26G-1	G G A G C G C G T G C G G G	15 G
DQ03 (171)	5' DQB 26Lp-1	A C G G A G C G C G T G C G T C T	17 T
DQ04 (172)	5' DQB 26V-2	G G A C G G A G C G C G T G C G T T A	19 A
DQ05 (173)	3' DQB 30H-1R	G T A C T C C T C G G T T A T A G A T G T G	24 C
DQ06 (174)	3' DQB 30S-1R	G A T C T C T C T C G G T T A T A G A T G C	23 C
DQ07 (175)	3' DQB 38V-2R	G T C G C T G T C G A A G C G C A	17 T
DQ08 (176)	5' DQB 55P-1	T G A C G C C G C T G G G C C	16 G
DQ09 (177)	3' DQB 57D-2R	G C T G T T C C A G T A C T C G G C G T	20 A
DQ10 (178)	3' DQB 57S-2R	G C T G T T C C A G T A C T C G G C A T	21 A
DQ11 (179)	3' DQB 57V-1R	G C T G T T C C A G T A C T C G G C A A	20 T
DQ12 (180)	3' DQB 70R-3R	C A A C T C C G C C G G T C C T	18 A
DQ13 (181)	5' DQB 71K-1	G A A G G A C A T C C T G G A G A A	21 A
DQ14 (182)	3' DQB 84Q-2R	G G T C G T G C G A G C T C C A A C T G	21 C
DQ15 (183)	3' DQB 89G-2R	C A C T C T C C T G C T G C A G C C C	21 G
DQCPT1 (272)		C A C G T C G C T G T C G A A G C C A C G T A C T C C T C	30 C
DQCPT2 (273)		C A C G T C G C T G T C G A A G C C A C G A T C T C C T T	30 T
DQCPT3 (274)		C A C G T C G C T G T C G A A G C C A C G T G C G T A C T C C	30 C
DQCPT4 (275)		C A C G T C G C T G T C G A A G C C A C G T G C G T A C T C C	30 C
DQCPT5 (276)		C A C G T C G C T G T C G A A G C C A C G T G C G T A C T C C	30 C
DR01 (184)	5' DR2S9-4	C C C C [AC] C A G C A C G T T C T G A	20 A
DR02 (185)	5' DR2S10G	C C A G C A C G T T T C T T G G A G G	19 G
DR03 (186)	5' DR2S10L-1	[AC] C A G C A C G T T T C T T G G A G C T	20 T
DR04 (187)	5' DR2S11D-2	C A C G T T T C T T G C A G C A G G A	19 A
DR05 (188)	5' DR2S11R-1	C A C G T T T C T T G C A G C A G C T G C G	19 G
DR06 (189)	5' DR2S13C-2	C G T T T C T T G G A G C A G C T A A G T G	23 G
DR07 (190)	5' DR2S13G-1	C G T T T C T T G G A G T A C T C A C G G G	23 G
DR08 (191)	5' DR2S13H-2	A C G T T T C T T G G A G C A G T T A A C	23 C
DR09 (192)	5' DR2S13R-1	C G T T T C C T G T G G C A G C C T A A G A	22 A
DR10 (193)	5' DR2S13S-2	C G T T T C T T G G A G T A C T C T A C G T C	23 C
DR11 (194)	5' DR2S14K-2	C G T T T C C T G T G G C A G G T A A T A	25 A
DR12 (195)	3' DR2R17-1R	G T T A T G G A A G T A T C T C C A G G T	23 A
DR13 (196)	5' DR2S26L-3	C G G A G C G G T G C G G T T G	17 G
DR14 (197)	5' DR2S26L-4	A C G G A G C G G T G C G G T T G	18 G
DR15 (198)	3' DR2R30H-1R	A C T C C C T G G T A T A G A G T G	22 C

[illegible]

CHOW and TONAI
Application No.: 09/747,391
Page 3

PATENT

If the Examiner believes a telephone conference would expedite prosecution of this application, please telephone the undersigned at .

Respectfully submitted,



Leslie E. Aberman
(See attached Letter)

TOWNSEND and TOWNSEND and CREW LLP
Two Embarcadero Center, 8th Floor
San Francisco, California 94111-3834
Tel: 415-576-0200
Fax: (415) 576-0300
LEA:dmw
SF 1375428 v1

VERSION WITH MARKINGS TO SHOW CHANGES MADE

In the Specification:

Paragraph (Table 1) beginning at line 1 of page 48 has been amended as follows (see attached sheets).

Paragraph (Table 2) beginning at line 1 of page 53 has been amended as follows (see attached sheets).

**BEFORE THE OFFICE OF ENROLLMENT AND DISCIPLINE
UNITED STATE PATENT AND TRADEMARK OFFICE**

LIMITED RECOGNITION UNDER 37 CFR § 10.9(b)

Leslie E. Aberman is hereby given limited recognition under 37 CFR § 10.9(b) as an employee of Townsend & Townsend & Crew LLP to prepare and prosecute patent applications wherein the patent applicant is a client of Townsend & Townsend & Crew LLP, and the attorney or agent of record in the applications is a registered practitioner who is a member of Townsend & Townsend & Crew LLP. This limited recognition shall expire on the date appearing below, or when whichever of the following events first occurs prior to the date appearing below: (i) Leslie E. Aberman ceases to lawfully reside in the United States, (ii) Leslie E. Aberman's employment with Townsend & Townsend & Crew LLP ceases or is terminated, or (iii) Leslie E. Aberman ceases to remain or reside in the United States on an H-1 visa.

This document constitutes proof of such recognition. The original of this document is on file in the Office of Enrollment and Discipline of the U.S. Patent and Trademark Office.

Expires: June 3, 2003



Harry I. Moatz
Director of Enrollment and Discipline

[illegible]

Primer (SEQ ID NO.)	SEQUENCE (5' - 3')																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																	</
---------------------	--------------------	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	----

Table 2

PRIMER (SEQ ID NO.)	PRIMER	SEQUENCE (5'-3')	MER 3' seq
DQ01 (169)	5' DQB 8V-1	T C C C [CT] C G C A G C A G G A T T T C G T G	20 G
DQ02 (170)	5' DQB 26G-1	G G A G C G C G T G C G G G	15 G
DQ03 (171)	5' DQB 26La-1	A C G G A G C G C G T G C G T C T	17 T
DQ04 (172)	5' DQB 26Y-2	G G A C G G A G C G C G T G C G T T A	19 A
DQ05 (173)	3' DQB 30H-1R	G T A C T C C T C T C G G T T A T A G A T G T G	24 C
DQ06 (174)	3' DQB 30S-1R	G A T C T C T C T C G G T T A T A G A T G C	23 G
DQ07 (175)	3' DQB 38V-2R	G T C G C T G T C G A A G C G C A	17 T
DQ08 (176)	5' DQB 55P-1	T G A C G C C G C T G G G C C	16 G
DQ09 (177)	3' DQB 57D-2R	G C T G T T C C A G T A C T C G G C G C T	20 A
DQ10 (178)	3' DQB 57S-2R	G C T G T T C C A G T A C T C G G C A	21 A
DQ11 (179)	3' DQB 57V-1R	G C T G T T C C A G T A C T C C T	20 T
DQ12 (180)	3' DQB 70R-3R	C A A C T C C G C C G G T G G A G A	18 A
DQ13 (181)	5' DQB 71K-1	G A A G A C A T C C G A G A C T G	21 A
DQ14 (182)	3' DQB 84Q-2R	G G T C G T G C G G A G C A G C C	21 C
DQ15 (183)	3' DQB 89G-2R	C A C T C T C C T G C G A G C C C	21 G
DQCP11 (272)		C A C G T C G C T G T C G A A G C G C A C G T A C T C C T C	30 C
DQCP12 (273)		C A C G T C G C T G T C G A A G C G G A C G A T C C T T	30 T
DQCP13 (274)		C A C G T C G C T G T C G A A G C G G T G C G T A C T C C T C	30 C
DQCP14 (275)		C A C G T C G C T G T C G A A G C G G T G C G T A C T C C T C	30 C
DQCP15 (276)		C A C G T C G C T G T C G A A G C G G T G C C T C C T C	30 C
DR01 (184)	5' DR2S9-4	C C C C [AC] C A G C A C G T T C T T G A	20 A
DR02 (185)	5' DR2S10G	C C A G C A C G T T C T T G G A G G	19 G
DR03 (186)	5' DR2S10L-1	[AC] C A G C A C G T T C T T G G A G C T	20 T
DR04 (187)	5' DR2S11D-2	C A C G T T T C T T G C A G C A G G A	19 A
DR05 (188)	5' DR2S11R-1	C A C G T T T C T T G G A G C T G C G	19 G
DR06 (189)	5' DR2S13C-2	C G T T T C T T G G A G C T A A G T G	23 G
DR07 (190)	5' DR2S13G-1	C G T T T C T T G G A G T A C T C T A C G G G	23 G
DR08 (191)	5' DR2S13H-2	A C G T T T C T T G G A G C A G T T A A C	23 C
DR09 (192)	5' DR2S13R-1	C G T T T C C T G G C A G C C T A A G A	22 A
DR10 (193)	5' DR2S13S-2	C G T T T C T T G G A G T A C T C T A C G T C	23 C
DR11 (194)	5' DR2S14K-2	C G T T T C C T G T G G C A G G T A A T A	25 A
DR12 (195)	3' DR2R17-1R	G T T A T G G A A G T A T C T G T C C A G G T	23 A
DR13 (196)	5' DR2S26L-3	C G G A G C G G T G C G G T T G	17 G
DR14 (197)	5' DR2S26L-4	A C G G A G C G G T G C G G T T G	18 G
DR15 (198)	3' DR2R30H-1R	A C T C C T C G T T A T A G A A G T G	22 C

[illegible]